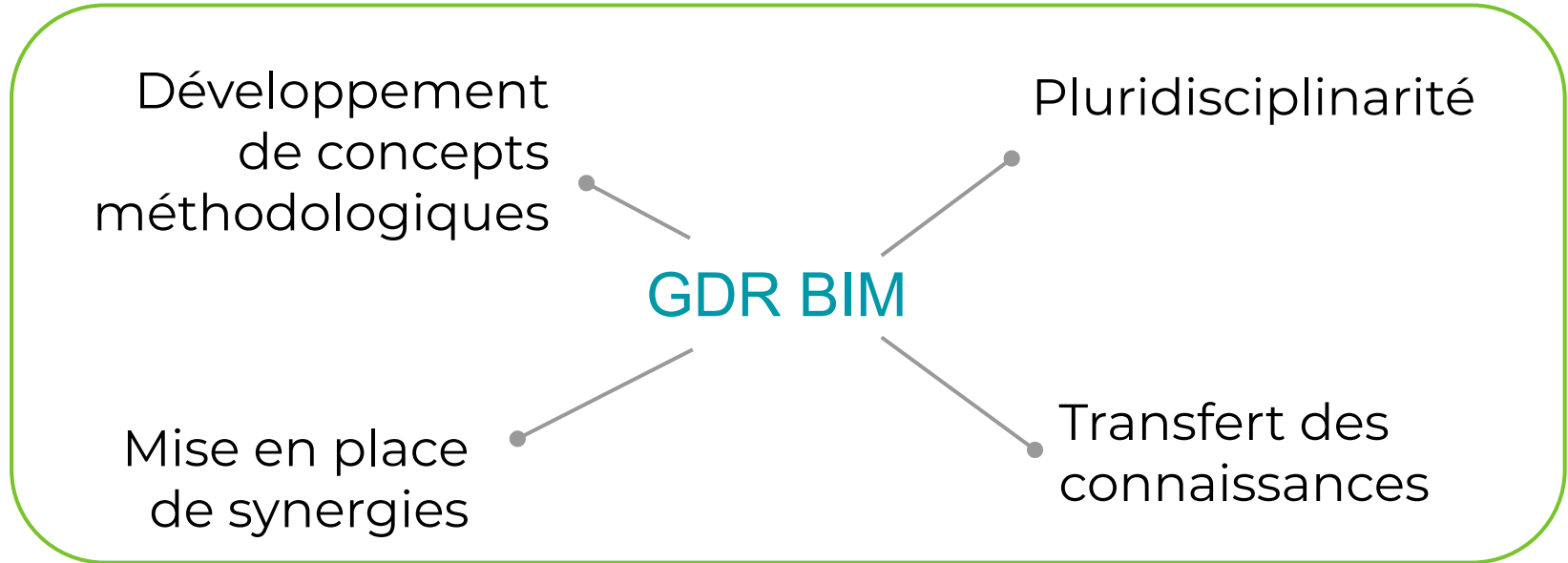




GDR Bioinformatique Moléculaire

GDR = groupement de recherche

Animation transverse de la recherche en bioinformatique



Avancée des recherches

Périmètre scientifique

- Algorithmes et méthodes pour l'analyse des séquences
- Evolution, phylogénie et génomique comparative
- Structure et interactions des macromolécules
- Modélisation des réseaux biologiques, biologie systémique, biologie synthétique
- Métagénomique, étude de communautés

	Nombre d'unités	Nombre de permanents
INS2I - CNRS	13	119
INSMI - CNRS	3	24
INSB - CNRS	9	52
INEE -CNRS	3	43
INP - CNRS	1	5
INRA	8	65
Inria	5	19
Inserm	4	50
Universités	2	17
Total	48	394

Recensement 2018
Sur la base de déclarations
actives

Modes d'actions

- Animation de groupes de travail
- Visites de doctorants [NEW 2019](#)
- Organisation d'une école de bioinformatique [NEW 2018](#)
- Journées du GDR [ici et maintenant](#)
- Partenariat JOBIM
- Soutien à des événements scientifiques

Groupes de travail

- Rencontres thématiques récurrentes
- Rythme annuel (plus ou moins)
- Entre 30 et 60 participants
- Esprit de communauté, de famille



Groupes de travail

- Alphy - phylogénie, évolution (mars 2020)
(L. Duret, C. Scornavaca)
- BLOSS - biologie systémique symbolique (demain)
(E. Remy, C. Lhoussaine, G. Batt, A. Siegel)
- GTGC - génomique comparative
(S. Bérard, H. Roest-Crollius)

- MASIM - bioinformatique structurale (hier)
(F. Cazals, Y. Ponty)
- SeqBIM - analyse de séquences (16, 17 décembre)
(L. Bulteau, C. Lemaitre, G. Didier)
- Statomique - analyse statistique des données omiques
(hier) (C. Hennequet-Antier, M.A. Dillies, J. Aubert)

Visites scientifiques

- Promouvoir les échanges pluridisciplinaires : mise en place de nouvelles collaborations, transfert de compétences, partage des données...
- Durée: 1 à 2 semaines (prise en charge frais de missions)
- Pour qui: en priorité des doctorants et postdocs
- 1er appel (2018): 7 demandes, dont 5 ont été acceptées (4 doctorants et 1 postdoc)
- 2ème appel 2019: 2 demandes (en cours d'instruction)

Ecole (JC)2BIM

- Fondements statistiques et algorithmiques pour l'analyse des grandes masses de données de séquences biologiques
- Première édition: 5-8 juin 2018, Frejus
30 participants (27 doctorants, 3 postdocs)
7 université, 6 INRA, 5 CNRS, 5 inria, 3 inserm, 2 entreprises, 1 CEA, 1 ANSES

Ecole (JC)2BIM

- Prochaine édition:
8-12 juin 2020, Nouan le Fuzelier

Ouverture des inscriptions:
février-mars



Appel à animations, mode d'emploi

- 2 appels par an (15 septembre et 15 mars)
→ bioinfo@sfbi.fr
- Formulaire sur le site web + document 2 pages max
- Instruction: 1 mois
- Prochain appel: 15 mars 2020 (période couverte: 2020-21)

Appel à animations

- Conditions de soutien (1-2k€)
 - événement se déroulant en France
 - ouvert à tous
 - périmètre scientifique du GDR BIM
- Evénements ponctuels
- Accompagnement récurrent
RCAM, LyonSysBio, JEBIF...

Appel à animations, écoles thématiques

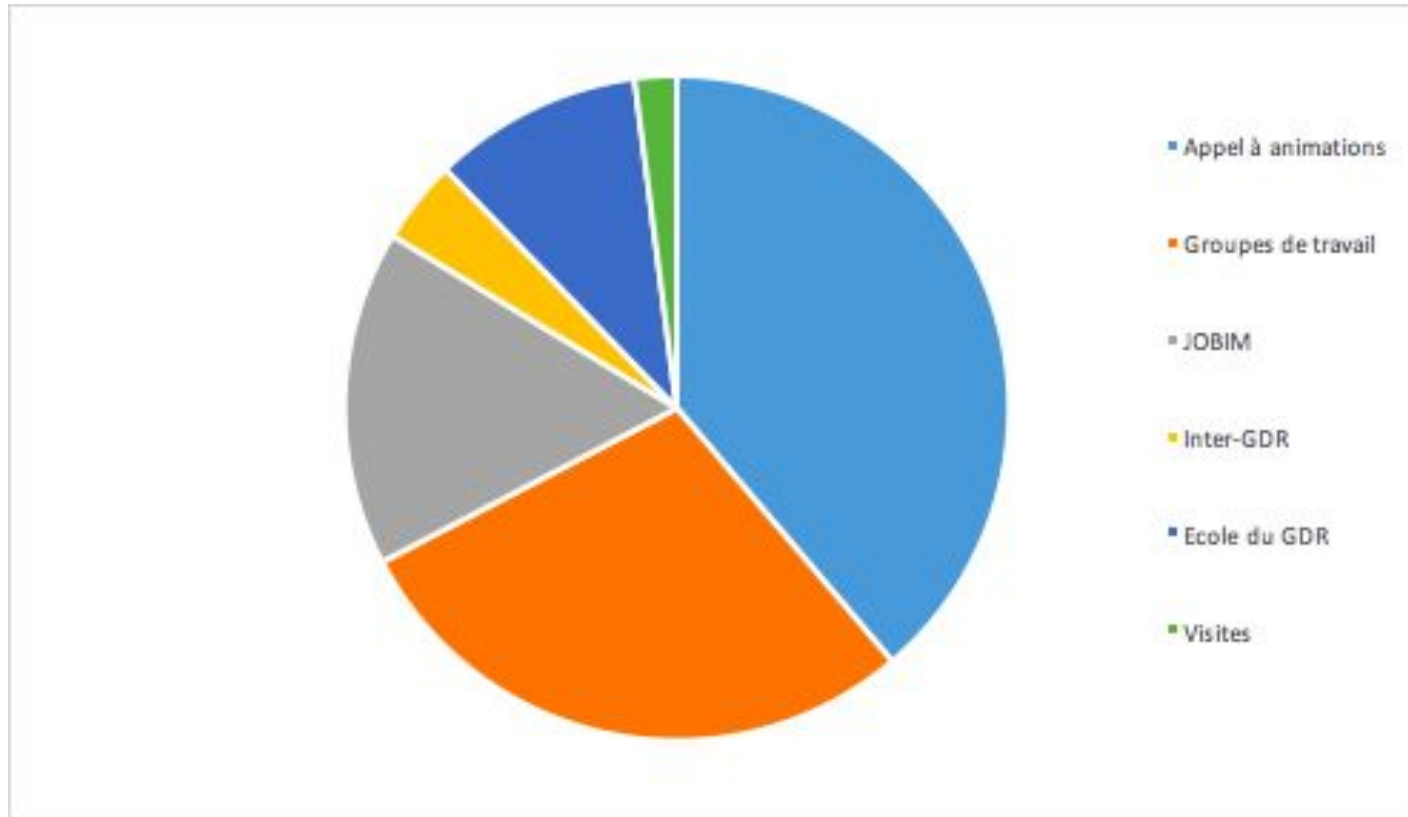
- aSSB, advances in systems and synthetic biology
- CompSysBio, Computational Systems Biology
- MCEB, Mathematical and Computational Evolutionary Biology
- AlgoSB, Structural bioinformatics
- Modyn, Modélisation et dynamique moléculaire
- Modélisation formelle de réseaux de régulation biologique

Prochaines dates

- Transcriptomique complexe, 10 décembre 2019, Nancy, co-organisé avec le GDR Génomique Environnementale
- GT SeqBIM, 16-17 décembre 2019, Marne-la-Vallée
- Statistical Methods for Post-Genomic Data, 23-24 janvier, Paris
- GT Alphy, 3-4 février 2020, Lyon

- Data Structures in Bioinformatics, février 2020, Rennes
- Winter school on networks and molecular biology, mars 2020, Marseille
- Opportunities and challenges in single-cell data for dynamical modeling, mars, Lyon
- The Functions of Alternative Splicing, mai 2020, Paris
- Mathematical and Computational Evolutionary Biology, juin 2020

Budget annuel du GDR BIM (2018)



50 000 € INS2I (CNRS)

Comité de direction

Hélène Touzet (CRIStAL, Lille)

Céline Brochier (LBBE, Lyon)

Stéphane Robin (MIA, Paris)

Conseil scientifique

Gregory Batt (Inria Saclay), [Sèverine Bérard \(ISEM, Montpellier\)](#), [Laurent Bulteau \(LIGM, Marne-la-Vallée\)](#), Frédéric Cazals (Inria Sophia), Alain Denise (LRI, Orsay), Gilles Didier (I2M, Marseille), Laurent Duret (LBBE, Lyon), [Céline Scornavaca \(ISEM, Montpellier\)](#), Olivier Gascuel (LIRMM et C3BI), Jacques van Helden (AMU, Marseille), [Christelle Hennequet-Antier \(INRA Nouzilly\)](#), [Claire Lemaître \(IRISA, Rennes\)](#), Pierre Peterlongo (IRISA, Rennes), Yann Ponty (LIX, Palaiseau), [Elisabeth Rémy \(I2M, Marseille\)](#), Eric Rivals (LIRMM, Montpellier), Eduardo Rocha (UMR CNRS 3525, Paris), Hugues Roest Crollius (IBENS, Paris), [Marie-France Sagot \(LBBE, Lyon\)](#), Sophie Schbath (INRA Jouy-en-Josas)

Le GDR, c'est vous

- Participer à la vie des groupes de travail
- Répondre à l'appel à animations
- Réfléchir à la mise en place d'un nouveau groupe de travail
- Proposer de nouvelles actions

Site web: www.gdr-bim.cnrs.fr

Se tenir au courant de l'actualité du GDR:
bioinfo@sfbi.fr

En discuter avec nous: [ici](#) et [maintenant](#)

gdr-bim@services.cnrs.fr

journées du GDR BIM - Université Paris Diderot

5 nov

GT MASIM

Bioinformatique
structurale

GT StatOmique

Statistique pour
L'analyse de
données omiques

6 nov

GDR

Fil rouge:
biologie intégrative

Modèles de
publication, PCI

Quelle synergie
entre le GDR et
l'Institut Français de
Bioinformatique ?

7 nov

GT BIOSS

Biologie
systémique
symbolique

Bourses de voyage
doctorants et
postdocs (SFBI)

Projet éditorial

- Editions ISTE, informatique
- Série de 4 volumes sur la bioinformatique

Biologie des systèmes (C. Lhoussaine, E. Remy)

Analyse de séquences, algorithmique discrète (M. Salson, A. Chateau)

Evolution, phylogénie moléculaire (G. Didier, S. Guindon)

Intégration de données en biologie (M.L. Martin-Magniette, G. Rigaille, C. Froidevaux)

10h15-11h05 **Biologie intégrative**: Quelques stratégies statistiques
Guillem Rigall et Marie-Laure Martin-Magniette

11h20-12h10 **Biologie intégrative**: workflows scientifiques pour la reproductibilité computationnelle, Sarah Cohen Boulakia

12h10-13h00 Peer Community in, Thomas Guillemaud

14h-14h30 Intervention de l'INS2I, Adeline Nazarenko

14h30-15h20 **Biologie Intégrative**: Facilitating complex life science data integration and reuse Olivier Dameron

15h40-17h L'Institut Français de Bionformatique: bilan et projets. Quelle synergie avec le GDR BIM ? Jacques van Helden